

## Hématologie, analyses génomiques

### Maladies néoplasiques

Expéditeur:		Patient:	
Nom:	Clinique/Laboratoire:	Nom:	Sexe:
Adresse:	Téléphone:	Prénom:	<input type="checkbox"/> Masculin
		Date de naissance:	<input type="checkbox"/> Féminin
		Adresse:	<input type="checkbox"/> Inconnu
Envoi du rapport:			
E-Mail: <small>(Sécurisé par HIN)</small>			
Copie pour: <small>(E-Mail sécurisé par HIN ou adresse complète)</small>			
Adresse pour la facturation:			
<input type="checkbox"/> Patient <input type="checkbox"/> Expéditeur <input type="checkbox"/> autre (adresse complète):			

Echantillon:		Indication clinique / diagnostic:			
<input type="checkbox"/> Sang EDTA	<input type="checkbox"/> Biopsie liquide	<input type="checkbox"/> LMA	<input type="checkbox"/> NMP	<input type="checkbox"/> SHE	<input type="checkbox"/> Diagnostic
<input type="checkbox"/> Sang héparine	<input type="checkbox"/> Sang PAXgene	<input type="checkbox"/> LLA	<input type="checkbox"/> PV	<input type="checkbox"/> Lymphome	<input type="checkbox"/> Suivi
<input type="checkbox"/> Moelle osseuse EDTA	<input type="checkbox"/> Moelle osseuse PAXgene	<input type="checkbox"/> LMC	<input type="checkbox"/> TE	<input type="checkbox"/> Myélome multiple	<input type="checkbox"/> Récidive
<input type="checkbox"/> Moelle osseuse héparine	<input type="checkbox"/> autres:	<input type="checkbox"/> SMD	<input type="checkbox"/> OMF	<input type="checkbox"/> autre:	
Plus d'informations / thérapie:					
Date de prélèvement:					
Heure de prélèvement:					

Informations	
Réception des échantillons	Du lundi au vendredi de 8.00 à 17.00 h.
Echantillon	Sang périphérique (EDTA) ou moelle osseuse (EDTA ou héparine). En cas de suspicion de LMA: moelle osseuse. Prélèvement de moelle osseuse: à mélanger immédiatement avec l'anticoagulant.
Prélèvement	Du lundi au jeudi seulement. Prière de compléter entièrement le formulaire de demande d'analyse.
Envoi des échantillons	Échantillons de leucémies: le matériel doit être envoyé à température ambiante immédiatement après le prélèvement, soit par express (Mondexpress Swiss Post oder Cityexpress 0800 88 88 88) soit par coursier (dans ce cas, livrer à la Murtenstrasse 31, au CGL, 6 <sup>e</sup> étage). <b>Important:</b> Les échantillons doivent arriver au laboratoire dans les 24 heures (Qualité de l'ARN). Autres échantillons: Envoi par courrier A possible pour certains, voir les données spécifiques sur le formulaire.
Résultats	Durée des analyses: 2-5 jours. Interprétation et envoi des résultats: 5 à 10 jours. Analyses complexes: jusqu'à 20 jours.
Leucémie le vendredi et le weekend	Pour les analyses LMA, LLA et LMC le vendredi et le week-end, prélever les échantillons dans deux PAXgene (préservation de l'ARN) et un tube EDTA (pour l'ADN). Les tubes PAXgene pour le sang et la moelle osseuse sont disponibles au laboratoire.
Biopsie liquide	Pour les biopsies liquides (liquid biopsy), des tubes spéciaux (cell-free DNA Collection Tubes) sont nécessaires pour stabiliser l'ADN circulant, ces tubes peuvent être obtenu sur demande au laboratoire (031 632 03 09 ou par e-mail).
Analyse urgente	La recherche du PML-RARA [(15;17)] est traitée comme analyse urgente selon l'annonce du médecin (téléphoner au laboratoire pour annoncer l'arrivée de l'échantillon: 031 632 03 09).
Qualité	Pour des raisons d'assurance de la qualité nous n'acceptons pas les tubes non identifiés, ni les formulaires de demande d'analyses qui ne sont pas entièrement remplis. De même, dû au risque de contamination, seuls les tubes d'analyses fermés seront acceptés.  Le présent échantillon, rendu anonyme, pourra être utilisé pour des analyses supplémentaires, pour les contrôles de qualité interne ou pour la recherche en rapport avec la maladie du patient. Il sera conservé plusieurs années. Le médecin prescripteur est tenu d'en informer le patient et d'obtenir son accord.

Date d'arrivée: .....

Heure d'arrivée: .....

Visum: .....

 Demande d'analyse CGL Hématologie  
 Maladies néoplasiques

version 2.0, 15.02.2023

page 1 de 3

<b>Patient:</b>
Nom:
Prénom:
Date de naissance:

DIAGNOSTIC LMA Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	SUM LMA Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS <sup>A</sup> (mutations & translocations) <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> RUNX1::RUNX1T1 (AML1::ETO), t(8;21), analyse quantitative <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (mutations) <sup>A</sup> <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> CBFβ::MYH11 inv(16), analyse quantitative <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (translocations) <sup>A</sup> <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> NPM1, analyse quantitative <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> CEBPA (mutations) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> PML::RARA t(15;17), analyse quantitative <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> FLT3 (ITD & mutations TKD) <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> FLT3 (ITD & mutations TKD), suivi <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> PML::RARA t(15;17) <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> IDH1: <input type="checkbox"/> R132C <input type="checkbox"/> R132H <i>courrier A</i>
<input type="checkbox"/> IDH1/2: 4 mutations les plus courantes (étude HOVON, analyse qualitative) <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> IDH2: <input type="checkbox"/> R140Q <input type="checkbox"/> R172K <i>courrier A</i>
<input type="checkbox"/> autres analyses: <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> autres translocations, suivi: <i>express 1)</i>
	<input type="checkbox"/> autres mutations, suivi: <i>courrier A</i>

NEOPLASIES MYELOPROLIFERATIVES (NMP) Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	
<input type="checkbox"/> JAK2 V617F (PV) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS <sup>A</sup> (mutations & translocations) <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> JAK2 V617F → CALR → MPL, algorithme (TE, OMF) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (mutations) <sup>A</sup> <i>courrier A</i>
<input type="checkbox"/> CALR (mutations) (TE, OMF) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (translocations) <sup>A</sup> <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> MPL mutations (TE, OMF) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> Panel mastocytose: ASXL1, KIT, RUNX1, SRSF2 <i>courrier A</i>
<input type="checkbox"/> JAK2 exon 12 (PV, EI) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> KIT (D816V) <i>courrier A</i>
<input type="checkbox"/> EPOR (mutations) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> FIP1L1::PDGFRα (SHE, LCE) <i>express 1)</i>
<input type="checkbox"/> VHL (mutations) <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> Translocations dans le cas d'éosinophilie, NGS avec entre autres les gènes suivants: PDGFRα, PDGFRβ, FGFR1, PCM1::JAK2 <i>express 1)</i>

DIAGNOSTIC LMC Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	SUM LMC Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)
<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1, analyse quantitative <i>express 1)</i>
	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 mutation (résistance aux TKI, 0.1% IS) Transcrit: <i>express 1)</i>

SMD, LMCC Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (mutations) <sup>A</sup> <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> Panel CMML <sup>B</sup> <i>courrier A</i>
<input type="checkbox"/> Panel de pronostic SMD: ASXL1, EZH2, RUNX1, TP53 <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> SF3B1 (en particulier en cas de sidérolastes en couronne) <i>courrier A</i>

THROMBOPHILIE Échantillon: 2 ml de sang EDTA	
<input type="checkbox"/> Facteur II (Prothrombin 20210G>A)* <i>courrier A</i>	<input type="checkbox"/> Facteur V Leiden R506Q* <i>courrier A</i>

AUTRES ANALYSES	
<input type="checkbox"/> Conserver <i>express 1)</i>	<input type="checkbox"/> Conserver après la séparation des plasmocytes pour le panel NGS myélome multiple <sup>C</sup> <b>express 2)</b>
<input type="checkbox"/> Autres analyses: (Demande: 031 632 03 09)	

**Express 1) Vendredi et fin de semaine: Envoi dans 2 tubes PAXgene (pour le panel myéloïde NGS un tube EDTA en plus).**

**Express 2) Les échantillons pour un panel myélome multiple NGS doivent absolument arriver au laboratoire au plus tard le vendredi midi dans le tube d'origine.**

**(\*) Les analyses des mutations constitutives sont soumises à la loi fédérale sur l'analyse génétique humaine. Le médecin prescripteur s'engage à avoir obtenu l'accord du patient.**

<sup>A</sup> Panel myéloïde NGS	<b>Mutations (65 gènes entiers):</b> ASXL1, ASXL2, ATRX, BCOR, BCORL1, BRAF, CALR, CBL, CDKN2A, CEBPA, CREBBP, CSF3R, CSNK1A1, CTCF, CTNNA1, CUX1, DDX41, DNMT3A, EP300, ETV6, EZH2, FBXW7, FLT3, GATA1, GATA2, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, IKZF1, JAK2, KDM6A, KDM6A, KIT, KMT2D, KMT2C, KRAS, MLL, MPL, MYC, MYD88, NF1, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D, PTEN, PTPN11, RAD21, RB1, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, SUZ12, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZBTB7A, ZRSR2
	<b>Translocations (325 translocations avec les gènes suivants):</b> ABL1, ALK, BCL2, BRAF, CCND1, CREBBP, EGFR, ETV6, FGFR1, FGFR2, FUS, HMGA2, JAK2, KMT2A, (MLL), MECOM, MET, MLLT10, MLLT3, MYBL1, MYH11, NTRK3, NUP214, PDGFRA, PDGFRB, RARA, RBM15, RUNX1, TCF3, TFE3
<sup>B</sup> CMML NGS Panel	ASXL1, CBL, EZH2, JAK2, KRAS, NRAS, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2
<sup>C</sup> Panel myélome multiple NGS	BRAF (Exons 11 et 15), CCND1, DIS3, EGR1, FGFR3, IDH1 (Exon 4), IDH2 (Exon 4), IRF4 (Exon 3), KRAS (Exons 2 et 3), MYD88 (L265P Mut), NRAS (Exons 2 et 3), PRDM1, TENT5C (FAM46C), TP53, TRAF3
<sup>D</sup> LLC panel NGS	ATM, BIRC3, BRAF, KRAS, NOTCH1, NRAS, SF3B1, TP53, PLCG2, BTK

**Patient:**

Nom:

Prénom:

Date de naissance:

<b>DIAGNOSTIC LLA</b> Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)		<b>SUMI LLA</b> Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	
<input type="checkbox"/> Panel LLA-B: BCR::ABL1, KMT2A::AFF1 (MLL::AF4), E2A::PBX1	express 1)	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1, analyse quantitative	express 1)
<input type="checkbox"/> Panel NGS LLA-T: FBXW7, KRAS, NOTCH1, NRAS, PTEN	courrier A	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 analyse de mutation (résistance TKI) Transcrit:	express 1)
<input type="checkbox"/> ETV6::RUNX1 (TEL::AML1), t(12;21)	express 1)	<input type="checkbox"/> autres mutations, suivi:	courrier A
<b>LLC / NEOPLASIES LYMPHOPROLIFERATIVES</b> Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> LLC panel NGS <sup>D</sup>	courrier A	<input type="checkbox"/> IGH::BCL2, t(14;18) (Lymphome folliculaire)	courrier A
<input type="checkbox"/> TP53 (LLC et autres, mutations)	courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement IGH (clonalité)	courrier A
<input type="checkbox"/> IGVH (mutations)	courrier A	<input type="checkbox"/> BRAF V600E (leucémie à tricholeucocytes)	courrier A
<input type="checkbox"/> Expression de CLLU1 (LLC vs. Lymphome du manteau)	express 1)	<input type="checkbox"/> MYD88 L265P (Maladie de Waldenström)	courrier A
<input type="checkbox"/> IGH::CCND1, t(11;14) (BCL1-IgH) (Lymphome du manteau)	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel Waldenström NGS: CXCR4, TP53, MYD88 L265P	courrier A
<b>ANALYSE DE CLONALITÉ</b> Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> Réarrangement IGH (clonalité)	courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)	courrier A
<b>MYÉLOME MULTIPLE</b> Échantillon: 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine) <b>Important:</b> le matériel ne doit pas être refroidi.			
<input type="checkbox"/> Panel myélome multiple NGS <sup>C</sup>	express 2)	<input type="checkbox"/> Conserver après la séparation des plasmocytes pour le panel NGS myélome multiple <sup>C</sup>	express 2)
Séparation des cellules dans les 24h: Annoncez l'échantillon SVP (031 632 03 09 ou E-Mail)			
<b>CAR-T: Nombre de copies/µg ADN</b> Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> CAR-T Kymriah	courrier A	<input type="checkbox"/> CAR-T JCAR017A	courrier A
<input type="checkbox"/> CAR-T Yescarta	courrier A	<input type="checkbox"/> CAR-T bb2121 (Ide-cel)	courrier A
<input type="checkbox"/> CAR-T Tecartus	courrier A	<input type="checkbox"/> CAR-T andere:	courrier A
<b>LYMPHOME / LEUCÉMIE À CELLULE T</b> Échantillon: 10 ml sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> Panel T-LGL NGS: STAT3, STAT5B, TNFAIP3, KMT2D	courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)	courrier A
<b>SYNDROME AUTO-INFLAMMATOIRE</b> Échantillon: 2 ml sang EDTA		<b>HÉMOGLOBINURIE PAROXYSTIQUE NOCTURNE</b> Échantillon: 2 ml sang EDTA	
<input type="checkbox"/> UBA1 (VEXAS syndrome)	courrier A	<input type="checkbox"/> PNH (PIGA)	courrier A
<b>BIOPSIE LIQUIDE:</b> Échantillon: 3x cell-free DNA Collection Tube (à commander au laboratoire: 031 632 03 09 ou par e-mail) <b>Important:</b> le matériel ne doit pas être refroidi.			
<input type="checkbox"/> MYD88 L265P	courrier A	<input type="checkbox"/> Conserver	courrier A
<b>FISH</b> Échantillon: 10 ml de sang hépariné ou 5 ml moelle osseuse hépariné			
Voir la demande d'analyse séparée pour la «Hématologie cytogénétique des tumeurs»			
<b>Remarque:</b> Pour l'analyse de FISH nous avons besoin d'un tube séparé.			